

FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome *****
Indirizzo *****
Telefono *****
E-mail *****

Nazionalità Italiana
Data di nascita **/**/1992

ESPERIENZA LAVORATIVA

02/2022-02/2023 Borsa di Ricerca presso ISPRO-CRL , tutor Dott. Silvo Conticello. Progetto: "Induzione della morte cellulare mediante metodo CRISPR/Cas9"

10/2018- 06/2022 Dottorato di ricerca "Genetica, Oncologia e medicina clinica"

02-10/2018 Borsa di Ricerca presso ISPRO, Meccanismi molecolare dell'oncogenesi, tutor Dott. Silvo Conticello. Progetto: "*Deep sequencing di RNA e DNA editing mediato da APOBEC1*"

01-07/2017 Tirocinio extra curricolare presso Imperial College London "Dipartimento Life Science", tutor Mustafa Djamgoz, su "*Espressione e funzione di canali ionici in cellule leucemiche*"

02/04/2016 Tirocinio curricolare presso il "Dipartimento di medicina clinica e sperimentale", Firenze, (Fi). "*Produzione e caratterizzazione funzionale di un anticorpo bispecifico capace di riconoscere l'unità oncogenica hERG1- $\beta 1$* " Tutor: Prof.ssa Arcangeli A.

09-11/2014 Tirocinio curricolare presso l'ente C.R.A, Firenze, (Fi), finalizzato al progetto di tesi triennale "*Studio sulla non coltivabilità dei batteri Antartici*". Tutor: Prof. Fani Renato

01/2010 Stage formativo presso "Studio Ambiente", Grosseto, (Gr)

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

10/2018- 06/2022 Dottorato di ricerca "Genetica, Oncologia e medicina clinica". Core Research Laboratory, ISPRO-Università di Siena. Progetto: "Induction of cell death based on tumor specific genetic determinants". Supervisor: Conticello S./Renieri A.

01-07/2017 Tirocinio extra curricolare presso Imperial College London "Dipartimento Life Science Progetto: "Espressione e funzione di canali ionici in cellule leucemiche"

01/2017 Laurea Magistrale in "Biologia- Biosanitario", presso Università degli Studi di Firenze

12/2014 Laurea Triennale in "Scienze Biologiche", presso Università degli studi di Firenze

06/2011 Diploma presso Liceo Scientifico "G. Marconi" (Gr)

CAPACITÀ E COMPETENZE PERSONALI	Ho sempre voluto raggiungere obiettivi professionali e personali prefissati, con determinazione e voglia di migliorare; il saper ascoltare, ed accettare consigli e aiuti da colleghi e persone più care, mi hanno aiutato a crescere con validi principi.
COMPETENZE LINGUISTICHE <ul style="list-style-type: none"> • Capacità di lettura • Capacità di scrittura • Capacità di espressione orale 	Inglese - Conseguimento livello B2, presso il Centro Linguistico di Ateneo, Firenze, (Fi) Buono Buono Buono
CAPACITÀ E COMPETENZE RELAZIONALI	Ottime capacità relazionali e comunicative. Capacità di lavorare in gruppo maturata nel percorso universitario e durante i tirocini svolti.
CAPACITÀ E COMPETENZE ORGANIZZATIVE	Ottime capacità di lavorare in maniera autonoma e organizzata per il raggiungimento di obiettivi prefissati e per la consegna di progetti rispettando le scadenze. Buone capacità di problem solving e buone competenze per la gestione e realizzazione di un progetto di ricerca.
CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE	Ottimo uso di database (BLAST/PSI-BLAST, NCBI, ENSEMBL) e analisi di sequenza (Sequencher). Ottima conoscenza delle tecniche standard di biologia molecolare (PCR, clonazione e trasformazione cellulare, Western blot, Southern e Northern blot, ecc.), mutagenesi sito-specifica, manipolazione di genomi batterici, espressione di proteine in E.coli usando diversi promotori, editing del genoma. Ottima conoscenza delle tecniche standard di biologia cellulare (manipolazione di linee cellulari, trasfezione transiente/stabile, ecc.), trasduzione retro/lentivirale, analisi FACs. Buone capacità nell'utilizzo di GraphPad Prism e ImageJ-Fiji, per elaborazione e analisi statistica dei dati.
ALTRE CAPACITÀ E COMPETENZE PATENTE O PATENTI	Conseguimento ECDL, European Computer Driving Licence (2007) Patente B
ULTERIORI INFORMAZIONI	Pubblicazioni: Onoja, A., Picchiotti, N., Fallerini, C., Baldassarri, M., Fava, F., Mari, F., Daga, S., Benetti, E., Bruttini, M., Palmieri, M., Croci, S., Amitrano, S., Meloni, I., Frullanti, E., Doddato, G., Lista, M., Beligni, G., Valentino, F., Zguro, K., Tita, R., Giliberti, A., Mencarelli, M.A., Rizzo, C.L., Pinto, A.M., Ariani, F., Di Sarno, L., Montagnani, F., Tumbarello, M., Rancan, I., Fabbiani, M., Rossetti, B., Bergantini, L., D'Alessandro, M., Cameli, P., Bennett, D., Anedda, F., Marcantonio, S., Scolletta, S., Franchi, F., Mazzei, M.A., Guerrini, S., Conticini, E., Cantarini, L., Frediani, B., Tacconi, D., Raffaelli, C.S., Feri, M., Donati, A., Scala, R., Guidelli, L., Spargi, G., Corridi, M., Nencioni, C., Croci, L., Caldarelli, G.P., Romani, D., Piacentini, P., Bandini, M., Desanctis, E., Cappelli, S., Canaccini, A., Verzuri, A., Anemoli, V., Pisani, M., Ognibene, A., Pancrazzi, A., Lorubbio, M., Vaghi, M., D'Arminio Monforte, A., Miraglia, F.G., Bruno, R., Vecchia, M., Girardis, M., Venturelli, S., Busani, S., Cossarizza, A., Antinori, A., Vergori, A., Emiliozzi, A., Rusconi, S., Siano, M., Gabrieli, A., Riva, A., Francisci, D., Schiaroli, E., Paciosi, F., Tommasi, A., Zuccon, U., Vietri, L., Scotton, P.G., Andretta, F., Panese, S., Baratti, S., Scaggiante, R., Gatti, F., Parisi, S.G., Castelli, F., Quiros-Roldan, E., Antoni, M.D., Zanella, I., Della Monica, M., Piscopo, C., Capasso, M., Russo, R., Andolfo, I., Iolascon, A., Fiorentino, G., Carella, M., Castori, M., Aucella, F., Raggi, P., Perna, R., Bassetti, M., Di Biagio, A., Sanguinetti, M., Masucci, L., Guarnaccia, A., Valente, S., De Vivo, O., Bargagli, E., Mandalà, M., Giorli, A., Salerno, L., Zucchi, P., Parravicini, P., Menatti, E., Trotta, T., Giannattasio, F., Coiro, G., Lena, F., Lacerenza, G., Coviello, D.A., Mussini, C., Martinelli, E., Tavecchia, L., Belli, M.A., Crotti, L., Parati, G., Sanarico, M., Biscarini, F., Stella, A., Rizzi, M., Maggiolo, F., Ripamonti, D., Suardi, C., Bachetti, T., La Rovere, M.T., Sarzi-Braga, S., Bussotti, M., Capitani, K. , Dei, S., Ravaglia, S., Artuso, R., Andreucci, E., Gori, G., Pagliuzzi, A., Fiorentini, E., Perrella, A., Bianchi, F., Bergomi, P., Catena, E., Colombo, R., Luchi, S., Morelli, G., Petrocelli, P., Iacopini, S., Modica, S., Baroni, S., Segala, F.V., Menichetti, F., Falcone, M., Tiseo, G., Barbieri, C., Matucci, T., Grassi, D., Ferri, C., Marinangeli, F., Brancati, F., Vincenti, A., Borgo, V., Lombardi, S., Lenzi, M., Di Pietro, M.A., Vichi, F., Romanin, B., Attala, L., Costa, C., Gabbuti, A., Menè, R., Colaneri, M., Casprini, P., Merla, G., Squeo, G.M., Maffezzoni, M., Mantovani, S., Mondelli, M.U., Ludovisi, S., Colombo, F., Chiaromonte, F., Renieri, A., Furini, S., Raimondi, F., GEN-COVID Multicenter Study An explainable model of host genetic interactions linked to COVID-19 severity

(2022) Communications Biology, 5 (1), art. no. 1133. DOI: 10.1038/s42003-022-04073-6

Pathak, G.A., et al. **A first update on mapping the human genetic architecture of COVID-19** (2022) Nature, 608 (7921), pp. E1-E10. DOI: 10.1038/s41586-022-04826-7

Kousathanas, A., et al. **Whole-genome sequencing reveals host factors underlying critical COVID-19** (2022) Nature, 607 (7917), pp. 97-103. DOI: 10.1038/s41586-022-04576-6

Mantovani, S., Daga, S., Fallerini, C., Baldassarri, M., Benetti, E., Picchiotti, N., Fava, F., Galli, A., Zibellini, S., Bruttini, M., Palmieri, M., Croci, S., Amitrano, S., Alaverdian, D., **Capitani, K.**, Furini, S., Mari, F., Meloni, I., Montagnani, F., Tumbarello, M., Rancan, I., Fabbiani, M., Rossetti, B., Bergantini, L., D'Alessandro, M., Cameli, P., Bennett, D., Anedda, F., Marcantonio, S., Scolletta, S., Franchi, F., Mazzei, M.A., Guerrini, S., Conticini, E., Cantarini, L., Frediani, B., Tacconi, D., Raffaelli, C.S., Feri, M., Donati, A., Scala, R., Guidelli, L., Spargi, G., Corridi, M., Nencioni, C., Croci, L., Caldarelli, G.P., Romani, D., Piacentini, P., Bandini, M., Desanctis, E., Cappelli, S., Canaccini, A., Verzuri, A., Anemoli, V., Pisani, M., Ognibene, A., Pancrazzi, A., Lorubbio, M., Vaghi, M., D'Arminio Monforte, A., Miraglia, F.G., Bruno, R., Vecchia, M., Girardis, M., Venturelli, S., Busani, S., Cossarizza, A., Antinori, A., Vergori, A., Emiliozzi, A., Rusconi, S., Siano, M., Gabrieli, A., Riva, A., Francisci, D., Schiaroli, E., Paciosi, F., Tommasi, A., Scotton, P.G., Andretta, F., Panese, S., Baratti, S., Scaggiante, R., Gatti, F., Parisi, S.G., Castelli, F., Quiros-Roldan, E., Antoni, M.D., Zanella, I., Della Monica, M., Piscopo, C., Capasso, M., Russo, R., Andolfo, I., Iolascon, A., Fiorentino, G., Carella, M., Castori, M., Aucella, F., Raggi, P., Perna, R., Bassetti, M., Di Biagio, A., Sanguinetti, M., Masucci, L., Guarnaccia, A., Valente, S., De Vivo, O., Doddato, G., Lista, M., Beligni, G., Valentino, F., Zguro, K., Tita, R., Giliberti, A., Mencarelli, M.A., Rizzo, C.L., Pinto, A.M., Ariani, F., Di Sarno, L., Bargagli, E., Mandalà, M., Giorli, A., Salerno, L., Zucchi, P., Parravicini, P., Menatti, E., Trotta, T., Giannattasio, F., Coiro, G., Lena, F., Lacerenza, G., Mussini, C., Martinelli, E., Tavecchia, L., Belli, M.A., Crotti, L., Parati, G., Sanarico, M., Raimondi, F., Biscarini, F., Stella, A., Bachetti, T., La Rovere, M.T., Ludovisi, S., Bussotti, M., Dei, S., Ravaglia, S., Artuso, R., Andreucci, E., Gori, G., Pagliuzzi, A., Fiorentini, E., Perrella, A., Bianchi, F., Bergomi, P., Catena, E., Colombo, R., Luchi, S., Morelli, G., Petrocelli, P., Iacopini, S., Modica, S., Baroni, S., Segala, F.V., Falcone, M., Tiseo, G., Barbieri, C., Matucci, T., Grassi, D., Ferri, C., Marinangeli, F., Brancati, F., Vincenti, A., Borgo, V., Lombardi, S., Lenzi, M., Di Pietro, M.A., Vichi, F., Romanin, B., Attala, L., Costa, C., Gabbuti, A., Menè, R., Colaneri, M., Casprini, P., Merla, G., Squeo, G.M., Maffezzoni, M., Frullanti, E., Mondelli, M.U., Renieri, A., GEN-COVID Multicenter Study

Rare variants in Toll-like receptor 7 results in functional impairment and downregulation of cytokine-mediated signaling in COVID-19 patients

(2022) Genes and Immunity, 23 (1), pp. 51-56. DOI: 10.1038/s41435-021-00157-1

Fallerini, C. et al. **Common, low-frequency, rare, and ultra-rare coding variants contribute to COVID-19 severity.** (2022) Human Genetics, 141 (1), pp. 147-173. DOI: 10.1007/s00439-021-02397-7

Niemi, M.E.K., et al. **Mapping the human genetic architecture of COVID-19** (2021) Nature, 600 (7889), pp. 472-477. DOI: 10.1038/s41586-021-03767-x

Rogier, M., Moritz, J., Robert, I., Lescale, C., Heyer, V., Abello, A., Martin, O., **Capitani, K.**, Thomas, M., Thomas-Claudepierre, A.-S., Laffleur, B., Jouan, F., Pinaud, E., Tarte, K., Cogné, M., Conticello, S.G., Soutoglou, E., Deriano, L., Reina-San-Martin, B.

Fam72a enforces error-prone DNA repair during antibody diversification (2021) Nature, 600 (7888), pp. 329-333. DOI: 10.1038/s41586-021-04093-y

D'Antonio, M., et al. **The COVID-19 Host Genetics Initiative**

SARS-CoV-2 susceptibility and COVID-19 disease severity are associated with genetic variants affecting gene expression in a variety of tissues (2021) Cell Reports 37 (7), art. no. 110020. DOI: 10.1016/j.celrep.2021.110020

Zanella, I., Zacchi, E., Piva, S., Filosto, M., Beligni, G., Alaverdian, D., Amitrano, S., Fava, F., Baldassarri, M., Frullanti, E., Meloni, I., Renieri, A., Castelli, F., Quiros-Roldan, E., Mari, F., Daga, S., Benetti, E., Furini, S., Fallerini, C., Valentino, F., Doddato, G., Giliberti, A., Tita, R., Bruttini, M., Croci, S., Pinto, A.M., Mencarelli, M.A., Rizzo, C.L., Montagnani, F., Tumbarello, M.,

Rancan, I., Sarno, L.D., Palmieri, M., Carriero, M.L., Fabbiani, M., Rossetti, B., Bargagli, E., Bergantini, L., D'alessandro, M., Cameli, P., Bennett, D., Anedda, F., Marcantonio, S., Scolletta, S., Franchi, F., Mazzei, M.A., Guerrini, S., Conticini, E., Cantarini, L., Frediani, B., Tacconi, D., Raffaelli, C.S., Feri, M., Donati, A., Scala, R., Guidelli, L., Spargi, G., Corridi, M., Nencioni, C., Croci, L., Caldarelli, G.P., Spagnesi, M., Piacentini, P., Bandini, M., Desanctis, E., Cappelli, S., Canac-Cini, A., Verzuri, A., Anemoli, V., Ognibene, A., Pancrazi, A., Lorubbio, M., Vaghi, M., Monforte, A.D., Miraglia, F.G., Mondelli, M.U., Bruno, R., Marco, V., Mantovani, S., Ludovisi, S., Girardis, M., Venturelli, S., Busani, S., Cossarizza, A., Antinori, A., Vergori, A., Emiliozzi, A., Rusconi, S., Siano, M., Gabrieli, A., Riva, A., Francisci, D., Schiaroli, E., Tommasi, A., Paciosi, F., Scotton, P.G., Andretta, F., Panese, S., Scaggiante, R., Gatti, F., Parisi, S.G., Antoni, M.D., Monica, M.D., Piscopo, C., Capasso, M., Russo, R., Andolfo, I., Iolascon, A., Fiorentino, G., Carella, M., Castori, M., Merla, G., Squeo, G.M., Aucella, F., Raggi, P., Marciano, C., Perna, R., Bassetti, M., Biagio, A.D., Sanguinetti, M., Masucci, L., Valente, S., Mandalà, M., Giorli, A., Salerno, L., Zucchi, P., Parravicini, P., Menatti, E., Baratti, S., Trotta, T., Giannattasio, F., Coiro, G., Lena, F., Coviello, D.A., Mussini, C., Bosio, G., Martinelli, E., Mancarella, S., Tavecchia, L., Belli, M.A., Crotti, L., Parati, G., Picchiotti, N., Gori, M., Gabbi, C., Sanarico, M., Ceri, S., Pinoli, P., Raimondi, F., Bis-Carini, F., Stella, A., Rizzi, M., Maggiolo, F., Ripamonti, D., Suardi, C., Bachetti, T., Rovere, M.T.L., Sarzi-Braga, S., Bussotti, M., Capitani, K., Zguro, K., Dei, S., Ravaglia, S., Artuso, R., Perrella, A., Bianchi, F., Bergomi, P., Catena, E., Colombo, R., Perticaroli, V., Gennarelli, M., Magri, C., Basiotto, G., Zizioli, D., Giliani, S., Monti, E., Focà, E., Carriero, C., Latronico, N., Padovani, A., Brugnani, D., GEN-COVID Multicenter Study, GEVACOBA Study Group

C9orf72 intermediate repeats confer genetic risk for severe covid-19 pneumonia independently of age. (2021) International Journal of Molecular Sciences, 22 (13), art. no. 6991. DOI: 10.3390/ijms22136991

Monticelli, M., Mele, B.H., Benetti, E., Fallerini, C., Baldassarri, M., Furini, S., Frullanti, E., Mari, F., Andreotti, G., Cubellis, M.V., Renieri, A., Daga, S., Fava, F., Valentino, F., Doddato, G., Giliberti, A., Tita, R., Amitrano, S., Bruttini, M., Croci, S., Meloni, I., Pinto, A.M., Mencarelli, M.A., Rizzo, C.L., Montagnani, F., Sarno, L.D., Tommasi, A., Palmieri, M., Carriero, M.L., Alaverdian, D., Beligni, G., Iuso, N., Inchingolo, G., Fabbiani, M., Rossetti, B., Zanelli, G., Bargagli, E., Bergantini, L., D'alessandro, M., Cameli, P., Bennet, D., Anedda, F., Marcantonio, S., Scolletta, S., Franchi, F., Mazzei, M.A., Guerrini, S., Conticini, E., Cantarini, L., Frediani, B., Tacconi, D., Spertilli, C., Feri, M., Donati, A., Scala, R., Guidelli, L., Spargi, G., Corridi, M., Nencioni, C., Croci, L., Caldarelli, G.P., Spagnesi, M., Piacentini, P., Bandini, M., Desanctis, E., Cappelli, S., Canaccini, A., Verzuri, A., Anemoli, V., Ognibene, A., Pancrazi, A., Lorusso, M., Vaghi, M., D'Arminio Monforte, A., Merlini, E., Miraglia, F.G., Mondelli, M.U., Bruno, R., Marco, V., Mantovani, S., Ludovisi, S., Girardi, M., Venturelli, S., Sita, M., Cossarizza, A., Antinori, A., Vergori, A., Emiliozzi, A., Rusconi, S., Siano, M., Gabrieli, A., Riva, A., Francisci, D., Schiaroli, E., Paciosi, F., Scotton, P.G., Andretta, F., Panese, S., Scaggiante, R., Gatti, F., Parisi, S.G., Castelli, F., Quiros-Roldan, E., Antoni, M.D., Zanella, I., Monica, M.D., Piscopo, C., Capasso, M., Russo, R., Andolfo, I., Iolascon, A., Fiorentino, G., Carella, M., Castori, M., Merla, G., Squeo, G.M., Aucella, F., Raggi, P., Marciano, C., Perna, R., Bassetti, M., Biagio, A.D., Sanguinetti, M., Masucci, L., Valente, S., Mandalà, M., Giorli, A., Salerno, L., Zucchi, P., Parravicini, P., Menatti, E., Baratti, S., Trotta, T., Giannattasio, F., Coiro, G., Lena, F., Coviello, D.A., Mussini, C., Bosio, G., Martinelli, E., Mancarella, S., Tavecchia, L., Crotti, L., Parati, G.-F., Picchiotti, N., Gori, M., Gabbi, C., Sanarico, M., Ceri, S., Pinoli, P., Raimondi, F., Bis-Carini, F., Stella, A., Rizzi, M., Maggiolo, F., Ripamonti, D., Suardi, C., Bachetti, T., Rovere, M.T.L., Sarzi-Braga, S., Bussotti, M., Bergomi, M., Capitani, K., Zguro, K., Dei, S., GEN-COVID Multicenter Study

Protective role of a tmprss2 variant on severe covid-19 outcome in young males and elderly women. (2021) Gene 12 (4), art. no. 596. DOI: 10.3390/genes12040596

Fallerini, C., Daga, S., Mantovani, S., Benetti, E., Picchiotti, N., Francisci, D., Paciosi, F., Schiaroli, E., Baldassarri, M., Fava, F., Palmieri, M., Ludovisi, S., Castelli, F., Quiros-Roldan, E., Vaghi, M., Rusconi, S., Siano, M., Bandini, M., Spiga, O., Capitani, K., Furini, S., Mari, F., Renieri, A., Mondelli, M.U., Frullanti, E., Valentino, F., Doddato, G., Giliberti, A., Tita, R., Amitrano, S., Bruttini, M., Croci, S., Meloni, I., Mencarelli, M.A., Rizzo, C.L., Pinto, A.M., Sarno, L.D., Beligni, G., Tommasi, A., Iuso, N., Montagnani, F., Fabbiani, M., Rossetti, B., Zanelli, G., Bargagli, E., Bergantini, L., D'alessandro, M., Cameli, P., Bennett, D., Anedda, F., Marcantonio, S., Scolletta, S., Franchi, F., Mazzei, M.A., Guerrini, S., Conticini, E., Cantarini, L., Frediani, B., Tacconi, D., Spertilli, C., Feri, M., Donati, A., Scala, R., Guidelli, L., Spargi, G., Corridi, M., Nencioni, C., Croci, L., Caldarelli, G.P., Spagnesi, M., Romani, D., Piacentini, P., Desanctis, E., Cappelli, S., Canaccini, A., Verzuri, A., Anemoli, V., Ognibene, A., D'Arminio Monforte, A., Miraglia, F.G., Girardis, M., Venturelli, S., Busani, S., Cossarizza, A., Antinori, A., Vergori, A.,

Emiliozzi, A., Gabrieli, A., Riva, A., Scotton, P.G., Andretta, F., Panese, S., Scaggiante, R., Gatti, F., Parisi, S.G., Baratti, S., Antoni, M.D., Monica, M.D., Piscopo, C., Capasso, M., Russo, R., Andolfo, I., Iolascon, A., Fiorentino, G., Carella, M., Castori, M., Merla, G., Squeo, G.M., Aucella, F., Raggi, P., Marciano, C., Perna, R., Bassetti, M., Biagio, A.D., Sanguinetti, M., Masucci, L., Valente, S., Mandalà, M., Giorli, A., Salemi, L., Zucchi, P., Parravicini, P., Menatti, E., Trotta, T., Giannattasio, F., Coiro, G., Lena, F., Coviello, D.A., Mussini, C., Bosio, G., Martinelli, E., Mancarella, S., Tavecchia, L., Gori, M., Crotti, L., Parati, G., Gabbi, C., Zanella, I., Rizzi, M., Maggiolo, F., Ripamonti, D., Bachetti, T., Rovere, M.T.L., Sarzi-Braga, S., Bussotti, M., Chiariello, M., Belli, M.A., Dei, S. **Association of toll-like receptor 7 variants with life-threatening COVID-19 disease in males: Findings from a nested case-control study (2021)** eLife 10, art. no. e67569, DOI: 10.7554/eLife.67569

Croci, S., Carriero, M.L., Capitani, K., Daga, S., Donati, F., Papa, F.T., Frullanti, E., Lopergolo, D., Lamacchia, V., Tita, R., Giliberti, A., Benetti, E., Niccheri, F., Furini, S., Lo Rizzo, C., Conticello, S.G., Renieri, A., Meloni, I.

AAV-mediated FOXG1 gene editing in human Rett primary cells European Journal of Human Genetics (2020) 28 (10), pp. 1446-1458. DOI: 10.1038/s41431-020-0652-6

Croci, S., Carriero, M.L., Capitani, K., Daga, S., Donati, F., Frullanti, E., Lamacchia, V., Tita, R., Giliberti, A., Valentino, F., Benetti, E., Ciabattini, A., Furini, S., Lo Rizzo, C., Pinto, A.M., Conticello, S.G., Renieri, A., Meloni, I.

High rate of HDR in gene editing of p.(Thr158Met) MECP2 mutational hotspot

(European Journal of Human Genetics, (2020), 28, 9, (1231-1242), 10.1038/s41431-020-0624-x) (2023) DOI: 10.1038/s41431-020-0624-x

Daga, S., Donati, F., Capitani, K., Croci, S., Tita, R., Giliberti, A., Valentino, F., Benetti, E., Fallerini, C., Niccheri, F., Baldassarri, M., Mencarelli, M.A., Frullanti, E., Furini, S., Conticello, S.G., Renieri, A., Pinto, A.M.

New frontiers to cure Alport syndrome: COL4A3 and COL4A5 gene editing in podocyte-lineage cells. European Journal of Human Genetics, (2020), 28, 4, (480-490), 10.1038/s41431-019-0537-8(2023) .DOI: 10.1038/s41431-019-0537-8