



Curriculum Vitae Europass

Informazioni personali

Cognome/Nome **Luisa Maresca**
Indirizzo *****
Telefono *****
E-mail luisamaresca@hotmail.com
Cittadinanza Italiana
Data di nascita **/**/1987
Sesso Femminile

Esperienza professionale

Date 01/02/2019 – 31/01/2021
Lavoro o posizione ricoperti **Borsa di Ricerca triennale Post Dottorato “AIRC-Fondazione CR Firenze”**
Principali attività e responsabilità Biological characterization of novel Gli-selective inhibitors for Hedgehog pathway-dependent cancers.
Nome e indirizzo del datore di lavoro Laboratorio di Biologia della Cellula Tumorale – CRL ISPRO
Viale Pieraccini 6, 50139 Firenze (FI)
Tipo di attività o settore Biologia molecolare e cellulare

Date 01/02/2018 – 31/01/2019
Lavoro o posizione ricoperti **Borsa di Ricerca Post Dottorato**
Principali attività e responsabilità Caratterizzazione biologica di nuovi inibitori della via di segnalazione Hedgehog-GLI
Nome e indirizzo del datore di lavoro Laboratorio di Biologia della Cellula Tumorale – CRL ISPRO
Viale Pieraccini 6, 50139 Firenze (FI)
Tipo di attività o settore Biologia molecolare e cellulare

Date 07/04/2017 – 31/01/2018
Lavoro o posizione ricoperti **Internato di Ricerca**
Principali attività e responsabilità Valutazione dell'effetto di alcune varianti missenso del gene BRCA1 sulla ricombinazione omologa mediante saggi funzionali in linee cellulari umane wild type o knock out per geni della riparazione del DNA.
Nome e indirizzo del datore di lavoro CNR – Istituto di Fisiologia Clinica, Via Moruzzi 1 – 56124 – Pisa
Tipo di attività o settore Oncologia molecolare e sperimentale

Date 01/11/2013 – 06/04/2017
Lavoro o posizione ricoperti **Dottorato di Ricerca**

Principali attività e responsabilità	Sviluppo di saggi funzionali in <i>S. cerevisiae</i> e in linee cellulari umane per la caratterizzazione di varianti missenso del gene BRCA1. Costruzione di linee cellulari knock-out per alcuni geni della riparazione del DNA mediante il sistema CRISPR/Cas9. Analisi mutazionale somatica di geni coinvolti nella riparazione del DNA mediante NGS in tumori della mammella e dell'ovaio. Analisi bioinformatica dei dati di NGS. Attività di supporto alla diagnostica: Test genetici per la predisposizione ai tumori della mammella e dell'ovaio e al tumore al colon (FAP e HNCCP).
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Dipartimento di Scienze Cliniche e Traslazionali, Università di Pisa Laboratorio di Genetica Oncologica Azienda Ospedaliera Universitaria Pisana, Via Roma 57 - 56100 – Pisa CNR – Istituto di Fisiologia Clinica, Via Moruzzi 1 – 56124 – Pisa
Tipo di attività o settore	Oncologia molecolare e sperimentale
Date	<u>01/02/2013 - 01/08/2013</u>
Lavoro o posizione ricoperti	Tirocinio Post-Laurea cofinanziato dalla Regione Toscana
Principali attività e responsabilità	Attività di supporto alla diagnostica: Analisi dei riarrangiamenti nei geni di predisposizione ai tumori della mammella e dell'ovaio e al tumore del colon mediante tecnica MLPA.
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Dipartimento di Ricerca Traslazionale e delle Nuove Tecnologie in Medicina, Università di Pisa Laboratorio di Genetica Oncologica Azienda Ospedaliera Universitaria Pisana, Via Roma 57 - 56100 - Pisa
Tipo di attività o settore	Genetica Oncologica
Date	<u>01/07/2011 – 19/10/2012</u>
Lavoro o posizione ricoperti	Internato di tesi per laurea magistrale
Principali attività e responsabilità	Analisi mutazionale somatica del gene MSH2 mediante sequenziamento di Sanger in tumori della mammella e dell'ovaio. Costruzione di vettori per l'espressione di varianti missenso del gene BRCA1 in <i>S. cerevisiae</i> .
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Dipartimento di Ricerca Traslazionale e delle Nuove Tecnologie in Medicina, Università di Pisa Laboratorio di Genetica Oncologica Azienda Ospedaliera Universitaria Pisana, Via Roma 57 - 56100 - Pisa
Tipo di attività o settore	Genetica Oncologica
Date	<u>01/04/2009 – 15/12/2009</u>
Lavoro o posizione ricoperti	Internato di tesi
Principali attività e responsabilità	Test del micronucleo
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Dipartimento di Biologia, Università di Pisa Sezione di Genetica Via Derna 1 - 56126 Pisa
Tipo di attività o settore	Citogenetica
Istruzione e formazione	
Date	<u>01/11/2013 – 06/04/2017</u>
Titolo della qualifica rilasciata	Dottorato di Ricerca in Scienze Cliniche e Traslazionali – Oncologia Sperimentale
Principali tematiche/competenza professionali possedute	Titolo della tesi: "Evaluation of BRCA1 related DNA repair genes in breast and ovarian carcinogenesis"
Nome e tipo d'organizzazione erogatrice dell'istruzione e formazione	Università degli studi di Pisa
Date	<u>16/12/2009 – 19/10/2012</u>
Titolo della qualifica rilasciata	Laurea Magistrale in Biologia Molecolare e Cellulare , voti 110/110 e lode.

Principali tematiche/competenza professionali possedute	Titolo della tesi: "Valutazione del ruolo del gene <i>MSH2</i> nel tumore familiare della mammella e dell'ovaio"
Nome e tipo d'organizzazione erogatrice dell'istruzione e formazione	Università degli studi di Pisa
Date	<u>01/10/2006 – 15/12/2009</u>
Titolo della qualifica rilasciata	Laurea in Scienze Biologiche Molecolari , voti 110/110 e lode.
Principali tematiche/competenza professionali possedute	Titolo della tesi: "Valutazione del fattore clastogeno nel plasma di pazienti trattati terapeuticamente con radiazioni ionizzanti"
Nome e tipo d'organizzazione erogatrice dell'istruzione e formazione	Università degli studi di Pisa
Date	<u>09/2001 - 07/2006</u>
Titolo della qualifica rilasciata	Maturità Scientifica , voti 100/100.
Nome e tipo d'organizzazione erogatrice dell'istruzione e formazione	Liceo Scientifico Statale "G.Salvemini", via S. Antonio ,3,80067,Sorrento (NA)

Capacità e competenze personali

Madrelingua(e) **Italiano**

Altra(e) lingua(e)

Autovalutazione

Livello europeo ()*

Inglese

Comprensione				Parlato				Scritto	
Ascolto		Lettura		Interazione orale		Produzione orale			
B2	Utente autonomo	B2	Utente autonomo	B1	Utente autonomo	B1	Utente autonomo	B1	Utente autonomo

Capacità e competenze sociali **Ottima predisposizione ai rapporti interpersonali. Attitudine al lavoro di gruppo maturata durante gli studi universitari e le esperienze lavorative. Buone capacità di comunicazione.**

Capacità e competenze organizzative **Ottima capacità di organizzare autonomamente e con precisione il lavoro giornaliero e settimanale e di rispettare puntualmente le scadenze. Buona capacità di lavorare in condizioni di stress e con tempi ristretti. Flessibilità dinamicità e adattamento.**

Capacità e competenze tecniche **Biologia molecolare:** Estrazione di DNA e RNA da sangue, colture cellulari, tessuti freschi o inclusi in paraffina, PCR, Elettroforesi su gel, Real time PCR, Colture batteriche, Amplificazione ed estrazione di DNA plasmidico, Mutagenesi sito specifica, Clonaggi di vettori plasmidici e lentivirali, Estrazione di proteine e Western blot, Colture di *Saccharomyces cerevisiae*, Trasformazione in *S. cerevisiae* e saggi funzionali, Immunoprecipitazione della cromatina (CHIP), Saggi di Luciferasi.

Analisi genetiche: Sequenziamento diretto, Next generation sequencing su piattaforma Ion Torrent, MLPA (Multiplex Ligation-dependent Probe Amplification). Analisi bioinformatica dei dati.

Biologia Cellulare: Manipolazione di colture cellulari: Transfezioni mediante lipidi cationici e sistemi lentivirali, Curve di crescita, Colony Formation Assay, Analisi del Ciclo cellulare, Saggio di migrazione, Genome editing mediante il sistema CRISPR/Cas9, Saggi funzionali, Analisi citofluorimetriche, Immunofluorescenza.

Modelli animali: Mantenimento e manipolazione di modelli murini per esperimenti in vivo. Xenograft di melanoma. Immunoistochimica.

Capacità e competenze informatiche	<p>Buona conoscenza dei sistemi operativi Microsoft Windows e MacOS X. Ottima conoscenza del pacchetto Microsoft Office.</p> <p>Ottima capacità di utilizzo dei motori di ricerca e consultazione delle banche dati.</p> <p>Ottima conoscenza e utilizzo di software per l'analisi di sequenza: Sequencing Analysis, SeqScape, Gene Mapper, Coffalyser, Integrate Genome Viewer (IGV), wAnnotwar, Torrent Suite, Ion Reporter.</p> <p>Buona conoscenza del software GraphPad Prism.</p> <p>Conoscenza base di Adobe Photoshop.</p>
Patente	Automobilistica (patente B)
Ulteriori informazioni	<p>Poster:</p> <ul style="list-style-type: none"> • “Valutazione del ruolo del gene MSH2 nel tumore familiare della mammella e dell’ovaio”, XV Congresso Nazionale SIGU, Sorrento 21-24 novembre 2012. • “Evaluation of BRCA1 related DNA repair genes in breast carcinogenesis”, 3rd Joint Meeting Hereditary Breast and Ovarian Cancer: “Networking to address biological and therapeutic challenges”, 25-27 Marzo Bari. <p>Pubblicazioni:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Montagnani V, Maresca L, Apollo A, et al. E3 ubiquitin ligase PARK2, an inhibitor of melanoma cell growth, is repressed by the oncogenic ERK1/2-ELK1 transcriptional axis. <i>The Journal of Biological Chemistry</i>. 2020 Nov;295(47):16058-16071. DOI: 10.1074/jbc.ra120.014615. PMID: 32938713. • Manetti F, Stecca B, Santini R, Maresca L, Giannini G, Taddei M, Petricci E. Pharmacophore-Based Virtual Screening for Identification of Negative Modulators of GLI1 as Potential Anticancer Agents. <i>ACS Med Chem Lett</i>. 2020 Mar 25;11(5):832-838. doi: 10.1021/acsmchemlett.9b00639. PMID: 32435392; PMCID: PMC7236221. • Lodovichi S., Bellé F., Cervelli T., Lorenzoni A., Maresca L., Cozzani C., Caligo MA., Galli A. (2019). Effect of BRCA1 missense variants on gene reversion in DNA double-strand break repair mutants and cell cycle-arrested cells of <i>Saccharomyces cerevisiae</i>. <i>Mutagenesis</i>, gez043. • Maresca L., Lodovichi S., Lorenzoni A., Cervelli T., Monaco R., Spugnesi L., Tancredi M., Falaschi E., Zavaglia K., Landucci E., Roncella M., Congregati C., Gadducci A., Naccarato A.G., Caligo M.A., Galli A. (2018). Functional Interaction Between BRCA1 and DNA repair in Yeast may Uncover a Role of <i>RAD50</i>, <i>RAD51</i>, <i>MRE11A</i> and <i>MSH6</i> somatic variants in breast and ovarian cancer patients carrying wild type, mutations or variants in cancer development. <i>Frontiers in genetics</i>. • Spugnesi L., Gabriele M., Scarpitta R., Tancredi M., Maresca L., Gambino G., Collavoli A., Aretini P., Bertolini I., Salvadori B., Landucci E., Fontana A., Rossetti E., Roncella M., Naccarato G.A., Caligo M.A. (2016). Germline mutations in DNA repair genes may predict neoadjuvant therapy response in triple negative breast patients. <i>Genes, Chromosomes and Cancer</i>, 55(12), 915-924. • Maresca L., Spugnesi L., Lodovichi S., Cozzani C., Naccarato A. G., Tancredi M., Collavoli A., Falaschi E., Rossetti E., Aretini P., Cervelli T., Galli A., Caligo M.A. (2015). MSH2 role in BRCA1-driven tumorigenesis: A preliminary study in yeast and in human tumors from BRCA1-VUS carriers. <i>European journal of medical genetics</i>, 58(10), 531-539.

La sottoscritta è a conoscenza che, ai sensi dell'art. 26 della legge 15/68, le dichiarazioni mendaci, la falsità negli atti e l'uso di atti falsi sono puniti ai sensi del codice penale e delle leggi speciali. Inoltre, la sottoscritta autorizza al trattamento dei dati personali, secondo quanto previsto dal D. Lgs 30 giugno 2003 n. 196.

Luisa Maresca 10/01/2022